Inhaltsverzeichnis

	ZUSAMMENFASSUNG	I
	ABKÜRZUNGEN	III
1.	LITERATURÜBERBLICK	1
1.0.	Neue Viruserkrankungen	
1.1.	Poliovirus	
1.1. 1.	Die Krankheit Kinderlähmung	1
1.1. 2.	Umstrittene Folgen einer Poliovirusinfektion	
	und eventuelle Persistenz	3
1.1. 3.	Bestimmung von Poliovirusstämmen	5
1.1.4.	Chemotherapie gegen Polioviren	5
1.1. 5.	Klassifizierung der Polioviren	6
1.1.6.	Die Eigenschaften von Polioviren	7
1.1. 7.	Die Impfung gegen Kinderlähmung	8
1.1. 8.	Poliovirus-Neurovirulenz	11
1.1. 9.	Verbesserung der Poliovakzine	13
1.1.10.	Poliofälle nach Einführung der Impfung	
1.1.11.	IPV oder OPV?	17
1.1.12.	Die Struktur des Poliovirus	
1.1.12.1.	Die Struktur des Poliovirusgenoms	
1.1.12.2.	Chimären des Poilovirusgenoms	24
1.1.12.3.	Die Struktur der Poliovirus-RNS	26
	Infektion der Zelle durch Polioviren	
1.1.13.1.	Bindung von Polioviren an die Zelle	30
	a) Der humane Rezeptor	30
	b) Der Mausrezeptor	32
1.1.13.2.	Die Aufnahme von Polioviren in die Zelle	
1.1.13.3.	Veränderungen der Wirtszelle	34
1.1.14.	Vermehrung der Polioviren	36
1.1.14.1.	Verlassen der Virushülle	36
1.1.14.2.	Transkription, Translation und Proteinspaltung	37
	a) Transkription	
	b) Translation	40
	c) Die viralen Proteasen	
	d) Funktionen weiterer Virusproteine	43
1.1.14.3.	Die Morphogenese von Polioviren	43
1.1.15.	Die Proteinstruktur des Antigens Poliovirus	44
1.2.	Antikörper	50
1.2. 1.	Die Struktur von Antikörpern	53
1.2. 2.	Antigen-Antikörper-Wechselwirkung (mit Beispielen)	57
1.2. 3.	Welche Aminosäuren erkennt ein Antikörper?	62
1.3.	Andere Abwehrmechanismen gegen virale Infektionen	64
1.4.	Die Antigenität der Polioviren	

2.	EINLEITUNG ZUM EXPERIMENTELLEN TEIL	77
2.1.	Ist Neutralisation von Polioviren Strukturänderung der Viren od	
	Aggregation?	
2.2.	Wo liegen die antigenen Regionen von Polioviruspartikeln?	
2.3.	Wie sieht eine antigene Region von Polioviruspartikeln aus?	
3.	MATERIAL UND METHODEN	79
3.1.	Puffer	
3.2.	Viren	
3.3.	Seren und Antikörper	
3.3. 1.	Seren und Antikörper für Aggregationsversuche	80
3.3. 2.	Seren und Antikörper für Peptidtests	81
3.4.	Methoden	
3.4. 1.	Virusproduktion und Virusaufarbeitung	
3.4. 2.	Aufarbeitung von Seren und Antikörpern	
3.4. 3.	Plaque-Test	82
3.4. 4.	pH-Titration	
3.4. 5.	Spektrumauswertung: Trennung von Streuung und Absorption_	
3.4. 6.	Serumtitration	
3.4. 7.	Auftrennung der Poliovirus-Strukturproteine	85
3.4. 8.	Herstellung tryptischer Peptide von VP2	
3.4. 9.	Identifizierung der VP2-Peptide	
3.4.10.	Bestimmung kleinster Aminosäuremengen durch	
2111201	OPA-Mercaptopropionsäure	87
3.4.11.	Dot-Test	
	DAB-Ni-Methode	
	Hauptsächlich verwendete Computerprogramme	
	Verwendete Daten	
	Programme zur Auswertung der optischen Dichte	
	Programme zur Struktur- bzw. Antigenitätsuntersuchung	
	Programme zur Homologiesuche	
	Programm zur Darstellung räumlicher Strukturen	
J.4.1J.4.	1 Togramm zur Darstendig Faummener Strukturen	_ //
4.	ERGEBNISSE	_ 96
4.1.	Optische Untersuchungen von Virussuspensionen	
4.1.1.	Direkte Auswertung der Spektren von Virussuspensionen nach	
7.1.1.	pH-Änderungen	
4.1.1.1.	Säuretitration	
4.1.1.2.	Base-Rücktitration	
4.1.1.3.	Infektiosität in Abhängigkeit vom pH-Wert	
4.1.1.4.	Hemmung der pH-Aggregation durch Ca ²⁺	
4.1.1.5.	Hemmung der pH-Aggregation durch Mg ²⁺	101
4.1.1.6.	Die Wirkung von SDS, Saccharose und EDTA auf die	_ 103
4.1.1.0.		_ 104
4.1.2.	pH-Aggregation	_ 104
4.1.2.		105
112	Serumzugabe Absorption in Spektron nach	_ 105
4.1.3.	Trennung von Streuung und Absorption in Spektren nach	107
	pH-Titrationen	_ 107

4.1.3.1.	Streuung und Absorption bei Säuretitration	107
4.1.3.2.	Hemmung der Aggregation und Absorptionsänderung durch Ca ²⁺	110
4.1.3.3.	Hemmung der Aggregation und Absorptionsänderung durch Mg ²⁺	_ 110
4.1.3.4.	Saccharose hemmt die Änderung der Absorption	110
4.1.4.	Trennung von Streuung und Absorption in Spektren nach	
	Antikörperzugabe	_ 111
4.1.4.1.	Streuung und Absorption nach Serumzugabe	_ 111
4.1.4.2.	Streuung und Absorption nach Zugabe monoklonaler Antikörper	_ 113
4.1.4.3.	Der Antikörper 7J6	114
4.1.5.	Versuch einer Gegenüberstellung der aggregationsbedingten	
	Anstiege der optischen Dichte mit den von anderen bestimmten	ì
	Neutralisationstitern	_ 116
4.2.	Einordnung der bekannten Epitope in die durch Computerdate	n
	und Programme zu erhaltenden Daten (auch zur Suche neuer	
	Epitope)	_ 117
4.2.1.	Epitope und Sequenzanalysen von Poliovirusproteinen	_ 117
4.2.1.1.	Strukturdaten	_ 117
4.2.1.2.	Antigenitätsdaten aus Antikörperbindungstests	118
4.2.1.3.	Peptide und ihre Immunreaktion	
4.2.1.4.	Sequenzanalysen durch Computerprogramme	118
4.2.1.5.	Programme zur Erkennung von B-Zell-Epitopen	119
4.2.1.6.	Programme zur Erkennung von T-Zell-Epitopen	120
4.2.2.	Lage der als antigen bekannten Aminosäuren auf der Virusober	r -
	fläche	_ 129
4.3.	Versuche mit tryptischen Peptiden von VP2	_ 141
4.3.0.	Isolierung der tryptischen Peptide des Oberflächenproteins, VP	2,
	von Poliovirus-wt 1	_ 141
4.3.1.	Wieviele Mole Peptid werden aufgetragen?	142
4.3.2.	Welche Peptide binden homologe Seren?	
4.3.3.	Welche Peptide binden heterologe Seren?	_ 146
4.3.4.	Welche Peptide binden monoklonale Antikörper mit unbekannt	
	Epitop?	_ 147
4.3.5.	Auswertung der Peptidversuche	150
4.3.5.1.	Hinweise auf eventuelle Kreuzreaktionen	
4.3.5.2.	Lage der antigenen Peptide auf VP2	_ 151
4.3.5.3.	Analyse der immunreaktiven Peptide	_ 155
4.3.5.4.	Die Kreuzreaktion von Peptid 4 mit heterologem Typ-2-Serum	
4.3.5.5.	Homologie der stark reagierenden Peptide 4 und 12	
4.3.5.6.	Auswertung der Bindung monoklonaler Antikörper an die VP2-Peptie	
4.3.5.7.	Übersicht über die Peptidbindung der monoklonalen Antikörper	_ 161
5.	DISKUSSION	
5.1.	Der Mechanismus der Neutralisation	
5.2.	Untersuchungen der Aggregation und Virusstrukturänderung _	_ 166
5.2.1.	Wirkungen der pH-Titration	166
5.2.2.	Wirkung der Serumtitration	
5.2.3.	Wirkungen monoklonaler Antikörper	
5.3.	Computervorhersagen	170

5.3.1.	B-Zell-Vorhersage	171
5.3.2.		
5.4.	Die Lage der antigenen Aminosäuren auf dem Virion	172
5.4.1.	Die antigene Region 1	172
5.4.2.	Die antigene Region 2	
5.4.3.	Die antigene Region 3	
5.5.	Die Immunreaktion von Peptiden	
5.6.	Die Eigenschaften einer antigenen Region	179
5.6.1.	Die Rolle des Prolins	
5.7.	Ausblick auf die Poliovirusimpfung	
6.	LITERATURVERZEICHNIS	184
7.	ANHANG	211
7.1.	Scatter, Programm zur Auftrennung von Streuung und Absor	ption211
7.2.	Stereobilder	-
	DANKSAGUNG	
	LEBENSLAUF	
	EIDESSTATTLICHE ERKLÄRUNG	

Zusammenfassung

Durch verschiedene Untersuchungsmethoden sollte in dieser Arbeit die Bindung von Antikörpern an Polioviren untersucht werden.

1. Optische Untersuchungen der Aggregation und Struktur von Polioviren:

a) Aggregation und Struktur bei Änderungen des pH-Wertes:

Säuretitrationen von Poliovirussuspensionen zeigen, daß alle drei Virustypen auf verschiedene Art durch pH-Werte <4,5 aggregieren.

Die Poliovirusaggregation durch niedrigen pH-Wert ist vollständig reversibel bis pH2. Die Partikel verlieren ihre Infektiosität nicht.

Bei den Typen 1 und 2 greift das saure Milieu in die Struktur der Virionen ein. Die Poliovirus-RNS wird deutlich hypochrom.

Saccharose schützt Polioviren im Sauren vor Aggregation und Absorptionsänderung (Mg²⁺ und Ca²⁺ schützen nicht).

b) Aggregation und Struktur bei Zugabe von Seren und Antikörpern:

Anders als bei pH-Wertänderungen führt die Aggregation durch Seren nicht zu einer Absorptions-(Struktur-)änderung der Viren. Die Änderung der optischen Dichte bei Serumzugabe beruht allein auf der Zunahme der Streuung durch größere Aggregate.

Die Kurven der optischen Versuche mit monoklonalen Antikörpern gleichen denen mit Seren. IgM und IgG aggregieren Polioviren, ändern nicht die Virusstruktur. Eine Ausnahme zeigt der Antikörper 7J6.

Die Serummenge zum Erreichen der Neutralisation entspricht der Menge, die zum Auslösen der Aggregation nötig ist.

2. Einordnung der bekannten antigenen Aminosäuren in bekannte Poliovirusdaten:

- a) Die Strukturdaten und Ergebnisse verschiedener Vorhersageprogramme zur Antigenität wurden entlang der Poliovirussequenzen angeordnet.
- b) Die Lage der antigenen Aminosäuren auf dem Virion wurde durch Strukturzeichenprogramme geklärt.

Beide Darstellungsweisen konnten zur Interpretation alter und neuer Ergebnisse benutzt werden und können als Hinweis für weitere Untersuchungen dienen.

Manche durch Resistenzmutanten gefundene "antigenen" Aminosäuren liegen nicht an der Oberfläche.

Starke Antigenität ist mit Hydrophilie, Knickwahrscheinlichkeit und hoher Beweglichkeit korreliert.

- 3. Bindungsversuche mit tryptischen Peptiden von Virusprotein 2:
- a) Die Lage antigener Peptide wurde geklärt.
- b) Die antigene Bindungsregion für einige Antikörper wurde vorbestimmt.

Im Test mit aufgetropften Peptiden können durch meine **DAB-Nickel-**Färbung weniger als 10pmole nachgewiesen werden.

In polyklonalen Seren sind Antikörper gegen Peptide des Proteins enthalten, die vollständig innen liegen.

Computerprogramme finden eine große Anzahl von Homologien von mehr als drei Aminosäuren zwischen den relativ kurzen VP2-Peptiden, so ist mit Kreuzreaktionen zu rechnen.

Die Reaktivität der Peptide läßt sich durch die Vergleiche mit mehreren Vorhersageprogrammen erklären. Stark antigene Regionen benötigen Hydrophilie, Flexibilität und eine durch Knicke präsentierte Struktur.

Die antigenen Regionen aller verwendeten Antikörper konnte vorbestimmt werden. Bei anderen Antikörpern mit "bekannter Region" konnte das Epitop erweitert werden. Eine strenge Aufteilung der Epitope nach anderen Eigenschaften der Antikörper gibt es nicht. Monoklonale Antikörper, die nicht neutralisieren, können die gleiche Stelle binden wie neutralisierende Antikörper; andere nicht neutralisierende Antikörper erkennen aber auch andere Sequenzen. Ein virusbindender, nicht neutralisierender Antikörper bindet aber auch ein Epitop, das dem eines neutralisierenden Antikörpers entspricht.

DARAUS FOLGT:

- I. Der größte Teil der Antikörper in Seren verändert nicht die Struktur der Polioviruspartikel, sondern aggregiert sie.
- II. Die Auflistung von Eigenschaften entlang der Poliosequenz kann zur Erklärung der Antigenität genutzt werden, ebenso die Lage der antigenen Aminosäuren auf der Struktur.
- III. Nicht neutralisierende Antikörper erkennen dieselben Sequenzen wie neutralisierende (und zusätzliche).
- IV. Auch Sequenzen im Virusinneren werden von Antikörpern erkannt.

Abkürzungen

Ag Antigen

AIDS erworbene Immunschwäche

Ak (Ab) Antikörper
AS Aminosäure(n)
BCA Bicinchonic Acid
BSA bovines Serumalbumin

C-antigen Antigenität leerer Poliovirus Kapside (coreless)

Cap proteingebundene 5'-Struktur eukaryotischer RNS mit methyliertem

Guanosin

cDNS (cDNA) zu Versuchszwecken kopierte Deoxyribonukleinsäure

CDR complement determining region (Region des Antikörpers, der das Anti-

gen berührt)

CPE zytopatischer Effekt
DAB 3,3'-Diaminobenzidin

D-antigen Antigenität dichter Polioviren (dense, meist synonym zu N benutzt)

DESY Deutsche Elektronen-Synchroton-Anlage

DI defective interfering particles (Polioviren, denen Teile der Struktur-

region fehlen)

DNS (DNA) Deoxyribonuleinsäure EBV Epstein-Barr-Virus

E.coli Escherichia coli (Darmbakterium, zur Genvermehrung benutzt)

EDTA Ethylendiamintetraessigsäure eIF Elongations-Initiationsfaktor

eIPV verstärkter (enhanced) Poliovirus-Totimpfstoff
ELISA enzymgebundener Immuntest auf Mikrotiterplatten

EM Elektronenmikroskop

ER Endoplasmatisches Retikulum

FE Fluoreszenzeinheiten

h Stunde(n)

H-antigen Antigenität von Polioviren nach Hitzebehandlung (heated)

HAV Hepatitis-A-Virus HBV Hepatitis-B-Virus

HIV wahrscheinlicher Erreger der humanen erworbenen Immunschwäche

(AIDS)

HPLC high-performance liquid chromatography
HRV humanes Schnupfenvirus (Rhinovirus)

IEF isoelektrische Fokussierung
IgA (G, M...) Immunglobulin A (G, M...)

IPV inaktivierte Poliovakzine (Totimpfstoff, der gespritzt wird, nach Salk)

kD Kilodalton(s)

KLH (keyhole limpet hemocyanin) Trägerprotein für Peptide

LamB Protein der äußeren Zellmembran von Escherichia coli

λ Wellenlänge

mAk monoklonale(r) Antikörper

Mah Mahoney (Poliovirus-Typ-1-Wildstamm)

MEF-1 (MEF₁) Poliovirus-Typ-2-Wildstamm

Mgew Molekulargewicht

MHC-1 Gewebeverträglichkeitsfaktor 1, auf allen Zellen

MHC-2 Gewebeverträglichkeitsfaktor 2, auf Zellen des Immunsystems

min Minute(n)

MKS Maul- und Klauenseuche-Virus (engl. FMDV)

MNt Mikroneutralisation (vollständige Neutralisation, Endpunktbest. auf

Mikrotiterplatten)

mRNS Botennukleinsäure (messenger)
N-antigen Antigenität nativer Polioviren

NC Nitrozellulose (-folie) NCR nichtkodierende Region

nd nicht bestimmt

NMR Kernspinresonanzspektroskopie

NS Nukleinsäure(n)

Nt-Titer Neutralisationstiter (50% Neutralisation)

OD optische Dichte

ODE normierte Einheiten der optischen Dichte

OPA Ortho-Phthaldialdehyd

OPV orale Poliovirusvakzine (Schluck-, Lebendimpfstoff, aus

abgeschwächten Viren nach Sabin)

PCR Polymerasekettenreaktion (zur Nukleinsäurevermehrung)
pH negativer Logarithmus der Wasserstoff-Ionenkonzentration

Plaque Loch im Zellrasen durch Virusvermehrung

PBE plaquesbildende Einheiten

PBS phosphatgepufferte isotone Salzlösung

PV Poliovirus

PVR Poliovirusrezeptor

Pu Purin Py Pyrimidin

RGD Rezeptorbindungsstelle des MKS

RIP Radioimmunpräzipitation

RNase Ribonuklease RNS (RNA) Ribonukleinsäure

rRNS ribosomale Ribonukleinsäure

S Sedimentationgeschwindigkeit in der Ultrazentrifuge (Svedberg-

Einheit)

Sab Sabinstamm

SDS Natrium(Sodium)-Dodecylsulfat

SDS-Page SDS-Polyacrylamid-Gelelektrophorese

SIgA sekretorisches IgA

SIV Simian Immundeficience Virus (Affenvirus, dem HIV ähnlich)

SV40 Simianvirus 40
TFA Trifluoressigsäure
TCA Trichloressigsäure

 $TCID_{50}$ Dosis an Virus, die die Hälfte aller Zellen tötet

TMV Tabakmosaikvirus

TOPV trivalente orale Poliovakzine
Upm Umdrehungen pro Minute
UTR untranslatierte Region

V Virus

VP(s) Virusprotein(e)

WHO Weltgesundheitsorganisation

wt Poliovirus-Wildtyp
ZNS Zentralnervensystem

subvirales Partikel aus fünf Pentameren